

[Inicio](#) > Whole-genome sequencing identifies recurrent mutations in chronic lymphocytic leukaemia.

Whole-genome sequencing identifies recurrent mutations in chronic lymphocytic leukaemia.

Authors: [Puente, Xose](#) / [Pinyol, Magda](#) / [Quesada, Víctor](#) / [Conde, Laura](#) / [Ordóñez, Gonzalo](#) / [Villamor, Neus](#) / [Escaramis, Georgia](#) / [Jares, Pedro](#) / [Beà, Sílvia](#) / [González-Díaz, Marcos](#) / [Bassaganyas, Laia](#) / [Baumann, Tycho](#) / [Juan, Manel](#) / [López-Guerra, Mónica](#) / [Colomer, Dolors](#) / [Tubío, José](#) / [López, Cristina](#) / [Navarro, Alba](#) / [Tornador, Cristian](#) / [Aymerich, Marta](#) / [Rozman, María](#) / [Hernández, Jesús](#) / [Puente, Diana](#) / [Freije, José](#) / [Velasco, Gloria](#) / [Gutiérrez-Fernández, Ana](#) / [Costa, Dolors](#) / [Carrió, Anna](#) / [Guijarro, Sara](#) / [Enjuanes, Anna](#) / [Hernández, Lluís](#) / [Yagüe, Jordi](#) / [Nicolás, Pilar](#) / [Romeo-Casabona, Carlos](#) / [Himmelbauer, Heinz](#) / [Castillo, Ester](#) / [Dohm, Juliane](#) / [Sanjosé, Silvia](#) / [Piris, Miguel](#) / [Alava, Enrique](#) / [San Miguel, Jesús](#) / [Royo, Romina](#) / [Gelpí, Josep Lluís](#) / [Torrents, David](#) / [Orozco, Modesto](#) / [Pisano, David](#) / [Valencia, Alfonso](#) / [Guigó, Roderic](#) / [Bayés, Mónica](#) / [Heath, Simon](#) / [Gut, Marta](#) / [Klatt, Peter](#) / [Marshall, John](#) / [Raine, Keiran](#) / [Stebbing, Lucy](#) / [Futreal, Andrew](#) / [Stratton, Michael](#) / [Campbell, Peter](#) / [Gut, Ivo](#) / [López-Guillermo, Armando](#) / [Estivill, Xavier](#) / [Montserrat, Emili](#) / [López-Otín, Carlos](#) / [Campo, Elías](#)

Publication: Nature

Volume / Pagination: 475 / 101-5

Palabras clave: [Amino Acid Sequence](#), [Animals](#), [Carrier Proteins](#), [DNA Mutational Analysis](#), [Genome, Human](#), [Humans](#), [Karyopherins](#), [Leukemia, Lymphocytic, Chronic, B-Cell](#), [Molecular Sequence Data](#), [Mutation](#), [Myeloid Differentiation Factor 88](#), [Receptor, Notch1](#), [Receptors](#), [Cytoplasmic and Nuclear, Reproducibility of Results](#)

Barcelona Supercomputing Center - Centro Nacional de Supercomputación

Source URL (retrieved on 3 Jul 2024 - 23:24): <https://www.bsc.es/es/research-and-development/publications/whole-genome-sequencing-identifies-recurrent-mutations-chronic>