

[Inicio](#) > Prediction of homoprotein and heteroprotein complexes by protein docking and template-based modeling: A CASP-CAPRI experiment

Prediction of homoprotein and heteroprotein complexes by protein docking and template-based modeling: A CASP-CAPRI experiment

URL:

<http://onlinelibrary.wiley.com/doi/10.1002/prot.25007/abstract;jsessionid=D55B8339C5ECEAA874CB32250D44E0>

UPCommons Handle URL <http://upcommons.upc.edu/handle/2117/96562>

Authors: [Lensink, Marc](#) / [Velankar, Sameer](#) / [Kryshtafovych, Andriy](#) / [Huang, Shen-You](#) / [Schneidman-Duhovny, Dina](#) / [Sali, Andrej](#) / [Segura, Joan](#) / [Fernandez-Fuentes, Narcis](#) / [Viswanath, Shruthi](#) / [Elber, Ron](#) / [Grudin, Sergei](#) / [Popov, Petr](#) / [Neveu, Emilie](#) / [Lee, Hasup](#) / [Baek, Minkyung](#) / [Park, Sangwoo](#) / [Heo, Lim](#) / [Lee, Gyu](#) / [Seok, Chaok](#) / [Qin, Sanbo](#) / [Zhou, Huan-Xiang](#) / [Ritchie, David](#) / [Maigret, Bernard](#) / [Devignes, Marie-Dominique](#) / [Ghoorah, Anisah](#) / [Torchala, Mieczyslaw](#) / [Chaleil, Raphaël](#) / [Bates, Paul](#) / [Ben-Zeev, Efrat](#) / [Eisenstein, Miriam](#) / [Negi, Surendra](#) / [Weng, Zhiping](#) / [Vreven, Thom](#) / [Pierce, Brian](#) / [Borrman, Tyler](#) / [Yu, Jinchao](#) / [Ochsenbein, Françoise](#) / [Guerois, Raphaël](#) / [Vangone, Anna](#) / [Rodrigues, João](#) / [van Zundert, Gydo](#) / [Nellen, Mehdi](#) / [Xue, Li](#) / [Karaca, Ezgi](#) / [Melquiond, Adrien](#) / [Visscher, Koen](#) / [Kastritis, Panagiotis](#) / [Bonvin, Alexandre](#) / [Xu, Xianjin](#) / [Qiu, Liming](#) / [Yan, Chengfei](#) / [Li, Jilong](#) / [Ma, Zhiwei](#) / [Cheng, Jianlin](#) / [Zou, Xiaoqin](#) / [Shen, Yang](#) / [Peterson, Lenna](#) / [Kim, Hyung-Rae](#) / [Roy, Amit](#) / [Han, Xusi](#) / [Esquivel-Rodríguez, Juan](#) / [Kihara, Daisuke](#) / [Yu, Xiaofeng](#) / [Bruce, Neil](#) / [Fuller, Jonathan](#) / [Wade, Rebecca](#) / [Anishchenko, Ivan](#) / [Kundrotas, Petras](#) / [Vakser, Ilya](#) / [Imai, Kenichiro](#) / [Yamada, Kazunori](#) / [Oda, Toshiyuki](#) / [Nakamura, Tsukasa](#) / [Tomii, Kentaro](#) / [Pallara, Chiara](#) / [Romero-Durana, Miguel](#) / [Jiménez-García, Brian](#) / [Moal, Iain](#) / [Fernandez-Recio, Juan](#) / [Joung, Jong](#) / [Kim, Jong](#) / [Joo, Keehyoung](#) / [Lee, Jooyoung](#) / [Kozakov, Dima](#) / [Vajda, Sandor](#) / [Mottarella, Scott](#) / [Hall, David](#) / [Beglov, Dmitri](#) / [Mamonov, Artem](#) / [Xia, Bing](#) / [Bohnuud, Tanggis](#) / [Del Carpio, Carlos](#) / [Ichiishi, Eichiro](#) / [Marze, Nicholas](#) / [Kuroda, Daisuke](#) / [Burman, Shourya](#) / [Gray, Jeffrey](#) / [Chermak, Edrisse](#) / [Cavallo, Luigi](#) / [Oliva, Romina](#) / [Tovchigrechko, Andrey](#) / [Wodak, Shoshana](#)

Publication: Proteins: Structure, Function, and Bioinformatics

Volume / Pagination: 84 / 323 - 348

Barcelona Supercomputing Center - Centro Nacional de Supercomputación

Source URL (retrieved on 14 Dic 2024 - 12:35): <https://www.bsc.es/es/research-and-development/publications/prediction-homoprotein-and-heteroprotein-complexes-protein>