

[A first update on mapping the human genetic architecture of COVID-19](#)

URL: <https://www.nature.com/articles/s41586-022-04826-7>

Authors: [COVID-19 Host Genetics Initiative](#), / [COVID-19 Host Genetics Initiative](#), / [Leadership](#), / [Pathak, Gita](#) / [Karjalainen, Juha](#) / [Stevens, Christine](#) / [Neale, Benjamin](#) / [Daly, Mark](#) / [Ganna, Andrea](#) / [Writing group](#), / [Writing group lead](#), / [Andrews, Shea](#) / [Kanai, Masahiro](#) / [Cordioli, Mattia](#) / [Analysis group](#), / [Manuscript analyses team lead](#), / [Manuscript analyses team members: PHEWAS](#), / [Polimanti, Renato](#) / [Manuscript analyses team members: Mendelian randomization](#), / [Harerimana, Nadia](#) / [Manuscript analyses team members: methods development](#), / [Pirinen, Matti](#) / [Manuscript analyses team members: PC projection, gene prioritization](#), / [Project management group](#), / [Project management lead](#), / [Liao, Rachel](#) / [Project management support](#), / [Chwialkowska, Karolina](#) / [Trankiem, Amy](#) / [Balaconis, Mary](#) / [Website development](#), / [Nguyen, Huy](#) / [Solomonson, Matthew](#) / [Scientific communication group](#), / [Scientific communication lead](#), / [Veerapen, Kumar](#) / [Wolford, Brooke](#) / [AncestryDNA COVID-19 Research Study](#), / [Analysis Team Lead](#), / [Roberts, Genevieve](#) / [Data collection lead](#), / [Park, Danny](#) / [Admin team lead](#), / [Ball, Catherine](#) / [Analysis team member](#), / [Coignet, Marie](#) / [McCurdy, Shannon](#) / [Knight, Spencer](#) / [Partha, Raghavendran](#) / [Rhead, Brooke](#) / [Data collection member](#), / [Zhang, Miao](#) / [Berkowitz, Nathan](#) / [Gaddis, Michael](#) / [Noto, Keith](#) / [Ruiz, Luong](#) / [Pavlovic, Milos](#) / [Admin team member](#), / [Hong, Eurie](#) / [Rand, Kristin](#) / [Girshick, Ahna](#) / [Guturu, Harendra](#) / [Baltzell, Asher](#) / [BelCovid](#), / [Analysis Team Lead](#), / [Niemi, Mari](#) / [Data collection lead](#), / [Rahmouni, Souad](#) / [Guntz, Julien](#) / [Admin team lead](#), / [Beguin, Yves](#) / [Analysis team member](#), / [Cordioli, Mattia](#) / [Pigazzini, Sara](#) / [Nkambule, Lindokuhle](#) / [Data collection member](#), / [Georges, Michel](#) / [Moutschen, Michel](#) / [Misset, Benoit](#) / [Darcis, Gilles](#) / [Guiot, Julien](#) / [Azarzar, Samira](#) / [Gofflot, Stéphanie](#) / [Claassen, Sabine](#) / [Malaise, Olivier](#) / [Huynen, Pascale](#) / [Meuris, Christelle](#) / [Thys, Marie](#) / [Jacques, Jessica](#) / [Léonard, Philippe](#) / [Frippiat, Frederic](#) / [Giot, Jean-Baptiste](#) / [Sauvage, Anne-Sophie](#) / [Von Frenckell, Christian](#) / [Belhaj, Yasmine](#) / [Lambermont, Bernard](#) / [Biobanque Quebec COVID-19](#), / [Analysis Team Lead](#), / [Nakanishi, Tomoko](#) / [Data collection lead](#), / [Morrison, David](#) / [Admin team lead](#), / [Mooser, Vincent](#) / [Richards, Brent](#) / [Analysis team member](#), / [Butler-Laporte, Guillaume](#) / [Forgetta, Vincenzo](#) / [Li, Rui](#) / [Data collection member](#), / [Ghosh, Biswarup](#) / [Laurent, Laetitia](#) / [Belisle, Alexandre](#) / [Henry, Danielle](#) / [Abdullah, Tala](#) / [Adeleye, Olumide](#) / [Mamlouk, Noor](#) / [Kimchi, Nofar](#) / [Afrasiabi, Zaman](#) / [Rezk, Nardin](#) / [Vulesevic, Branka](#) / [Bouab, Meriem](#) / [Guzman, Charlotte](#) / [Petitjean, Louis](#) / [Tselios, Chris](#) / [Xue, Xiaoqing](#) / [Afilalo, Jonathan](#) / [Afilalo, Marc](#) / [Oliveira, Maureen](#) / [Brenner, Bluma](#) / [Brassard, Nathalie](#) / [Durand, Madeleine](#) / [Admin team member](#), / [Schurr, Erwin](#) / [Lepage, Pierre](#) / [Ragoussis, Jiannis](#) / [Auld, Daniel](#) / [Chassé, Michaël](#) / [Kaufmann, Daniel](#) / [Lathrop, Mark](#) / [Adra, Darin](#) / [CCHC COVID-19 GAWS](#), / [Analysis Team Lead](#), / [Hayward, Caroline](#) / [Glessner, Joseph](#) / [Shaw, Douglas](#) / [Data collection lead](#), / [Campbell, Archie](#) / [Morris, Marcela](#) / [Admin team lead](#), / [Hakonarson, Hakon](#) / [Porteous, David](#) / [Below, Jennifer](#) / [Analysis team member](#), / [Richmond, Anne](#) / [Chang, Xiao](#) / [Polikowski, Hannah](#) / [Lauren, Petty](#) / [Chen, Hung-Hsin](#) / [Wanying, Zhu](#) / [Data collection member](#), / [Fawns-Ritchie, Chloe](#) / [Admin team member](#), / [North, Kari](#) / [McCormick, Joseph](#) / [CHOP CAG](#), / [Data collection member](#), / [Chang, Xiao](#) / [Glessner, Joseph](#) / [Hakonarson, Hakon](#) / [The Colorado Center for Personalized Medicine](#), / [Analysis Team Lead](#), / [Gignoux, Christopher](#) / [Data collection lead](#), / [Wicks, Stephen](#) / [Crooks, Kristy](#) / [Admin team lead](#), / [Barnes, Kathleen](#) / [Analysis team member](#), / [Daya, Michelle](#) / [Shortt, Jonathan](#) / [Rafaels, Nicholas](#) / [Chavan, Sameer](#) / [Coronagenes](#), / [Analysis Team Lead](#), / [Timmers, Paul](#) / [Wilson, James](#) / [Tenesa, Albert](#) / [Admin team lead](#),

[/ Kerr, Shona / Analysis team member](#), [/ D?Mellow, Kenton / Egypt hgCOVID hub](#), [/ Analysis Team Lead](#), [/ Data collection lead](#), [/ Shahin, Doaa / El-Sherbiny, Yasser / Admin team lead](#), [/ von Hohenstaufen, Kathrin / Sobh, Ali / Eltoukhy, Madonna / Analysis team member](#), [/ Nkambul, Lindokuhle / Data collection member](#), [/ Elhadidy, Tamer / Elghafar, Mohamed / El-Jawhari, Jehan / Mohamed, Attia / Elnagdy, Marwa / Samir, Amr / Abdel-Aziz, Mahmoud / Khafaga, Walid / El-Lawaty, Walaa / Torky, Mohamed / El-shanshory, Mohamed / Admin team member](#), [/ Yassen, Amr / Hegazy, Mohamed / Okasha, Kamal / Eid, Mohammed / Moahmed, Hanteera / EraCORE](#), [/ Analysis Team Lead](#), [/ Medina-Gomez, Carolina / Data collection lead](#), [/ Ikram, Arfan / Admin team lead](#), [/ Uitterlinden, André / Estonian Biobank](#), [/ Analysis Team Lead](#), [/ Mägi, Reedik / Data collection lead](#), [/ Milani, Lili / Admin team lead](#), [/ Metspalu, Andres / Analysis team member](#), [/ Laisk, Triin / Läll, Kristi / Lepamets, Maarja / Data collection member](#), [/ Esko, Tõnu / Reimann, Ene / Naaber, Paul / Laane, Edward / Pesukova, Jaana / Peterson, Pärt / Kisand, Kai / Tabri, Jekaterina / Allos, Raili / Hensen, Kati / Starkopf, Joel / Ringmets, Inge / Tamm, Anu / Kallaste, Anne / Admin team member](#), [/ Alavere, Helene / Metsalu, Kristjan / Puusepp, Mairo / EXCEED](#), [/ Analysis Team Lead](#), [/ Batini, Chiara / Data collection lead](#), [/ Tobin, Martin / Admin team lead](#), [/ Venn, Laura / Analysis team member](#), [/ Lee, Paul / Shrine, Nick / Williams, Alexander / Data collection member](#), [/ Guyatt, Anna / John, Catherine / Packer, Richard / Ali, Altaf / Free, Robert / Wang, Xueyang / Wain, Louise / Hollox, Edward / Admin team member](#), [/ Bee, Catherine / Adams, Emma / FinnGen](#), [/ Palotie, Aarno / Analysis team member](#), [/ Ripatti, Samuli / Ruotsalainen, Sanni / Data collection member](#), [/ Kristiansson, Kati / Koskelainen, Sami / Perola, Markus / Donner, Kati / Kivinen, Katja / Palotie, Aarno / Admin team member](#), [/ Kaunisto, Mari / Functional Host Genomics in Infectious Diseases \(FHoGID\)](#), [/ Analysis Team Lead](#), [/ Rivolta, Carlo / Data collection lead](#), [/ Bochud, Pierre-Yves / Bibert, Stéphanie / Boillat, Noémie / Nussle, Semira / Albrich, Werner / Analysis team member](#), [/ Quinodoz, Mathieu / Kamdar, Dhryata / Data collection member](#), [/ Suh, Noémie / Neofytos, Dionysios / Erard, Véronique / Voide, Cathy / FHoGID](#), [/ Bochud, Pierre-Yves / Rivolta, Carlo / Bibert, Stéphanie / Quinodoz, Mathieu / Kamdar, Dhryata / Neofytos, Dionysios / Erard, Véronique / Voide, Cathy / Friolet, R. / Vollenweider, P. / Pagani, J. / Oddo, M. / Bentrup, Meyer / Conen, A. / Clerc, O. / Marchetti, O. / Guillet, A. / Guyat-Jacques, C. / Foucras, S. / Rime, M. / Chassot, J. / Jaquet, M. / Viollet, Merlet / Lannepoudenx, Y. / Portopena, L. / RegCOVID](#), [/ Bochud, P. / Vollenweider, P. / Pagani, J. / Desgranges, F. / Filippidis, P. / Guéry, B. / Haefliger, D. / Kampouri, E. / Manuel, O. / Munting, A. / Papadimitriou-Olivgeris, M. / Regina, J. / Rochat-Stettler, L. / Suttels, V. / Tadini, E. / Tschopp, J. / Van Singer, M. / Viala, B. / P-PredictUs](#), [/ Boillat-Blanco, N. / Brahier, T. / Hügli, O. / Meuwly, J. / Pantet, O. / SeroCOVID](#), [/ Nussle, Gonseth / Bochud, M. / D?Acremont, V. / Younes, Estoppey / CRiPSI](#), [/ Albrich, W. / Suh, N. / Cerny, A. / O?Mahony, L. / von Mering, C. / Bochud, P. / Frischknecht, M. / Kleger, G-R. / Filipovic, M. / Kahlert, C. / Wozniak, H. / Negro, Rochat / Pugin, J. / Bouras, K. / Knapp, C. / Egger, T. / Perret, A. / Montillier, P. / di Bartolomeo, C. / Barda, B. / GCAT Genomes For Life](#), [/ Analysis Team Lead](#), [/ de Cid, Rafael / Data collection lead](#), [/ Carreras, Anna / Moreno, Victor / Kogevinas, Manolis / Analysis team member](#), [/ Galván-Femenía, Ivan / Blay, Natalia / Farre, Xavier / Sumoy, Lauro / Data collection member](#), [/ Cortés, Beatriz / Mercader, Josep Maria / Guindo-Martínez, Marta / Torrents, David / Garcia-Aymerich, Judith / Castaño-Vinyals, Gemma / Dobaño, Carlota / GEN-COVID Multicenter Study](#), [/ Analysis Team Lead](#), [/ Gori, Marco / Data collection lead](#), [/ Renieri, Alessandra / Mari, Francesca / Mondelli, Mario / Castelli, Francesco / Vaghi, Massimo / Rusconi, Stefano / Montagnani, Francesca / Bargagli, Elena / Franchi, Federico / Mazzei, Maria / Cantarini, Luca / Tacconi, Danilo / Feri, Marco / Scala, Raffaele / Spargi, Genni / Nencioni, Cesira / Bandini, Maria / Caldarelli, Gian / Canaccini, Anna / Ognibene, Agostino / Monforte, Antonella / Girardis, Massimo / Antinori, Andrea / Francisci, Daniela / Schiaroli, Elisabetta / Scotton, Pier / Panese, Sandro / Scaggiante, Renzo / Monica, Matteo / Capasso, Mario / Fiorentino, Giuseppe / Castori, Marco / Aucella, Filippo / Di Biagio, Antonio / Masucci, Luca / Valente, Serafina / Mandalà, Marco / Zucchi, Patrizia / Giannattasio, Ferdinando / Coviello, Domenico / Mussini, Cristina / Tavecchia, Luisa / Crotti, Lia / Rizzi, Marco / La Rovere, Maria / Sarzi-Braga, Simona / Bussotti, Maurizio / Ravaglia, Sabrina / Artuso, Rosangela / Perrella, Antonio / Romani, Davide / Bergomi, Paola / Catena, Emanuele / Vincenti, Antonella / Ferri, Claudio / Grassi, Davide / Pessina, Gloria / Tumbarello, Mario / Di Pietro, Massimo / Sabrina, Ravaglia / Luchi, Sauro / Admin team lead](#), [/ Furini, Simone / Dei, Simona / Analysis team member](#), [/ Benetti, Elisa / Picchiotti, Nicola / Sanarico, Maurizio / Ceri, Stefano / Pinoli, Pietro / Raimondi, Francesco / Biscarini, Filippo / Stella, Alessandra / Zguro, Kristina / Capitani, Katia / Nkambule, Lindokuhle / Tanfoni, Marco / Data collection member](#),

[/ Fallerini, Chiara](#) / [Daga, Sergio](#) / [Baldassarri, Margherita](#) / [Fava, Francesca](#) / [Frullanti, Elisa](#) / [Valentino, Floriana](#) / [Doddato, Gabriella](#) / [Giliberti, Annarita](#) / [Tita, Rossella](#) / [Amitrano, Sara](#) / [Bruttini, Mirella](#) / [Crocì, Susanna](#) / [Meloni, Ilaria](#) / [Mencarelli, Maria](#) / [Rizzo, Caterina](#) / [Pinto, Anna](#) / [Beligni, Giada](#) / [Tommasi, Andrea](#) / [Di Sarno, Laura](#) / [Palmieri, Maria](#) / [Carriero, Miriam](#) / [Alaverdian, Diana](#) / [Busani, Stefano](#) / [Bruno, Raffaele](#) / [Vecchia, Marco](#) / [Belli, Mary](#) / [Mantovani, Stefania](#) / [Ludovisi, Serena](#) / [Quiros-Roldan, Eugenia](#) / [Antoni, Melania](#) / [Zanella, Isabella](#) / [Siano, Matteo](#) / [Emiliozzi, Arianna](#) / [Fabbiani, Massimiliano](#) / [Rossetti, Barbara](#) / [Bergantini, Laura](#) / [D'Alessandro, Miriana](#) / [Cameli, Paolo](#) / [Bennett, David](#) / [Anedda, Federico](#) / [Marcantonio, Simona](#) / [Scolletta, Sabino](#) / [Guerrini, Susanna](#) / [Conticini, Edoardo](#) / [Frediani, Bruno](#) / [Spertilli, Chiara](#) / [Donati, Alice](#) / [Guidelli, Luca](#) / [Corridi, Marta](#) / [Crocì, Leonardo](#) / [Piacentini, Paolo](#) / [Desanctis, Elena](#) / [Cappelli, Silvia](#) / [Verzuri, Agnese](#) / [Anemoli, Valentina](#) / [Pancrazzi, Alessandro](#) / [Lorubbio, Maria](#) / [Miraglia, Federica](#) / [Venturelli, Sophie](#) / [Cossarizza, Andrea](#) / [Vergori, Alessandra](#) / [Gabrieli, Arianna](#) / [Riva, Agostino](#) / [Paciosi, Francesco](#) / [Andretta, Francesca](#) / [Gatti, Francesca](#) / [Parisi, Saverio](#) / [Baratti, Stefano](#) / [Piscopo, Carmelo](#) / [Russo, Roberta](#) / [Andolfo, Immacolata](#) / [Iolascon, Achille](#) / [Carella, Massimo](#) / [Merla, Giuseppe](#) / [Squeo, Gabriella](#) / [Raggi, Pamela](#) / [Marciano, Carmen](#) / [Perna, Rita](#) / [Bassetti, Matteo](#) / [Sanguinetti, Maurizio](#) / [Giorli, Alessia](#) / [Salerni, Lorenzo](#) / [Parravicini, Pierpaolo](#) / [Menatti, Elisabetta](#) / [Trotta, Tullio](#) / [Coiro, Gabriella](#) / [Lena, Fabio](#) / [Martinelli, Enrico](#) / [Mancarella, Sandro](#) / [Gabbi, Chiara](#) / [Maggiolo, Franco](#) / [Ripamonti, Diego](#) / [Bachetti, Tiziana](#) / [Suardi, Claudia](#) / [Parati, Gianfranco](#) / [Bottà, Giordano](#) / [Di Domenico, Paolo](#) / [Rancan, Ilaria](#) / [Bianchi, Francesco](#) / [Colombo, Riccardo](#) / [Barbieri, Chiara](#) / [Acquilini, Donatella](#) / [Andreucci, Elena](#) / [Segala, Francesco](#) / [Tiseo, Giusy](#) / [Falcone, Marco](#) / [Lista, Mirjam](#) / [Poscente, Monica](#) / [De Vivo, Oreste](#) / [Petrocelli, Paola](#) / [Guarnaccia, Alessandra](#) / [Baroni, Silvia](#) / [Generation Scotland](#) / [Analysis Team Lead](#) / [Hayward, Caroline](#) / [Data collection lead](#) / [Porteous, David](#) / [Admin team lead](#) / [Fawns-Ritchie, Chloe](#) / [Analysis team member](#) / [Richmond, Anne](#) / [Data collection member](#) / [Campbell, Archie](#) / [Genes & Health](#) / [Analysis Team Lead](#) / [van Heel, David](#) / [Data collection lead](#) / [Hunt, Karen](#) / [Admin team lead](#) / [Trembath, Richard](#) / [Analysis team member](#) / [Huang, Qin](#) / [Martin, Hilary](#) / [Data collection member](#) / [Mason, Dan](#) / [Trivedi, Bhavi](#) / [Wright, John](#) / [Admin team member](#) / [Finer, Sarah](#) / [Genes & Health Research Team](#) / [Akhtar, Shaheen](#) / [Anwar, Mohammad](#) / [Arciero, Elena](#) / [Ashraf, Samina](#) / [Breen, Gerome](#) / [Chung, Raymond](#) / [Curtis, Charles](#) / [Chowdhury, Maharun](#) / [Colligan, Grainne](#) / [Deloukas, Panos](#) / [Durham, Ceri](#) / [Finer, Sarah](#) / [Griffiths, Chris](#) / [Huang, Qin](#) / [Hurles, Matt](#) / [Hunt, Karen](#) / [Hussain, Shapna](#) / [Islam, Kamrul](#) / [Khan, Ahsan](#) / [Khan, Amara](#) / [Lavery, Cath](#) / [Lee, Sang](#) / [Lerner, Robin](#) / [MacArthur, Daniel](#) / [MacLaughlin, Bev](#) / [Martin, Hilary](#) / [Mason, Dan](#) / [Miah, Shefa](#) / [Newman, Bill](#) / [Safa, Nishat](#) / [Tahmasebi, Farah](#) / [Trembath, Richard](#) / [Trivedi, Bhavi](#) / [van Heel, David](#) / [Wright, John](#) / [Griffiths, Christopher](#) / [Genes for Good](#) / [Analysis Team Lead](#) / [Smith, Albert](#) / [Data collection member](#) / [Boughton, Andrew](#) / [Li, Kevin](#) / [LeFaive, Jonathon](#) / [Annis, Aubrey](#) / [Genome-wide assessment of the gene variants associated with severe COVID-19 phenotype in Iran](#) / [Analysis Team Lead](#) / [Niavarani, Ahmadreza](#) / [Data collection lead](#) / [Aliannejad, Rasoul](#) / [Analysis team member](#) / [Sharififard, Bahareh](#) / [Data collection member](#) / [Amirsavadvkouhi, Ali](#) / [Naderpour, Zeinab](#) / [Tadi, Hengameh](#) / [Aleagha, Afshar](#) / [Ahmadi, Saeideh](#) / [Moghaddam, Seyed](#) / [Adamsara, Alireza](#) / [Saeedi, Morteza](#) / [Abdollahi, Hamed](#) / [Hosseini, Abdolmajid](#) / [Host genetic factors in COVID-19 patients in relation to disease susceptibility, disease severity and pharmacogenomics](#) / [Analysis Team Lead](#) / [Chariyavilaskul, Pajaree](#) / [Data collection lead](#) / [Jantarabenjakul, Watsamon](#) / [Admin team lead](#) / [Hirankarn, Nattiya](#) / [Analysis team member](#) / [Chamnanphon, Monpat](#) / [Suttichet, Thitima](#) / [Shotelersuk, Vorasuk](#) / [Pongpanich, Monnat](#) / [Phokaew, Chureerat](#) / [Chetruengchai, Wanna](#) / [Data collection member](#) / [Putchareon, Opass](#) / [Torvorapanit, Pattama](#) / [Puthanakit, Thanyawee](#) / [Suchartlikitwong, Pintip](#) / [Admin team member](#) / [Nilaratanakul, Voraphoj](#) / [Sodsai, Pimpayao](#) / [HUNT](#) / [Analysis Team Lead](#) / [Brumpton, Ben](#) / [Data collection lead](#) / [Hveem, Kristian](#) / [Willer, Cristen](#) / [Analysis team member](#) / [Wolford, Brooke](#) / [Zhou, Wei](#) / [Data collection member](#) / [Rogne, Tormod](#) / [Solligard, Erik](#) / [Åsvold, Bjørn](#) / [Lifelines](#) / [Analysis Team Lead](#) / [Franke, Lude](#) / [Data collection lead](#) / [Boezen, Marike](#) / [Analysis team member](#) / [Deelen, Patrick](#) / [Claringbould, Annique](#) / [Lopera, Esteban](#) / [Warmerdam, Robert](#) / [Vonk, Judith](#) / [van Blokland, Irene](#) / [Data collection member](#) / [Lanting, Pauline](#) / [Ori, Anil](#) / [Mass General Brigham-Host Vulnerability to COVID-19](#) / [Analysis Team Lead](#) / [Feng, Yen-Chen](#) / [Mercader, Josep](#) / [Data collection lead](#) / [Weiss, Scott](#) / [Karlson, Elizabeth](#) / [Smoller, Jordan](#) / [Murphy, Shawn](#) / [Meigs, James](#) / [Woolley, Ann](#) / [Admin team lead](#) / [Green, Robert](#) / [Data collection member](#) / [Perez, Emma](#) / [Michigan Genomics Initiative](#) / [Analysis Team Lead](#) / [Wolford, Brooke](#) / [Admin team lead](#) / [Zöllner, Sebastian](#) / [Analysis team member](#)

[/ Wang, Jiongming](#) / [Beck, Andrew](#) / [Mount Sinai Health System COVID-19 Genomics Initiative](#), / [Analysis Team Lead](#), / [Sloofman, Laura](#) / [Data collection lead](#), / [Ascolillo, Steven](#) / [Sebra, Robert](#) / [Collins, Brett](#) / [Levy, Tess](#) / [Admin team lead](#), / [Buxbaum, Joseph](#) / [Sealfon, Stuart](#) / [Analysis team member](#), / [Jordan, Daniel](#) / [Thompson, Ryan](#) / [Gettler, Kyle](#) / [Chaudhary, Kumardeep](#) / [Belbin, Gillian](#) / [Preuss, Michael](#) / [Hoggart, Clive](#) / [Choi, Sam](#) / [Underwood, Slayton](#) / [Data collection member](#), / [Salib, Irene](#) / [Britvan, Bari](#) / [Keller, Katherine](#) / [Tang, Lara](#) / [Peruggia, Michael](#) / [Hiester, Liam](#) / [Niblo, Kristi](#) / [Aksentjevich, Alexandra](#) / [Labkowsky, Alexander](#) / [Karp, Avromie](#) / [Zlatopolsky, Menachem](#) / [Zyndorf, Marissa](#) / [Admin team member](#), / [Charney, Alexander](#) / [Beckmann, Noam](#) / [Schadt, Eric](#) / [Abul-Husn, Noura](#) / [Cho, Judy](#) / [Itan, Yuval](#) / [Kenny, Eimear](#) / [Loos, Ruth](#) / [Nadkarni, Girish](#) / [Do, Ron](#) / [O'Reilly, Paul](#) / [Huckins, Laura](#) / [MyCode Health Initiative](#), / [Analysis Team Lead](#), / [Ferreira, Manuel](#) / [Abecasis, Goncalo](#) / [Data collection lead](#), / [Leader, Joseph](#) / [Cantor, Michael](#) / [Admin team lead](#), / [Justice, Anne](#) / [Carey, Dave](#) / [Analysis team member](#), / [Chittoor, Geetha](#) / [Josyula, Navya](#) / [Kosmicki, Jack](#) / [Horowitz, Julie](#) / [Baras, Aris](#) / [Data collection member](#), / [Gass, Matthew](#) / [Yadav, Ashish](#) / [Admin team member](#), / [Mirshahi, Tooraj](#) / [Netherlands Twin Register](#), / [Analysis Team Lead](#), / [Hottenga, Jouke](#) / [Data collection lead](#), / [Bartels, Meike](#) / [Admin team lead](#), / [de geus, Eco](#) / [Analysis team member](#), / [Nivard, Michel](#) / [Penn Medicine Biobank](#), / [Analysis Team Lead](#), / [Verma, Anurag](#) / [Ritchie, Marylyn](#) / [Admin team lead](#), / [Rader, Daniel](#) / [Analysis team member](#), / [Li, Binglan](#) / [Verma, Shefali](#) / [Lucas, Anastasia](#) / [Bradford, Yuki](#) / [Saudi Human Genome Program - COVID19: Host Genomic markers predicting the severity and suitability to COVID-19 in highly consanguineous population](#), / [Analysis Team Lead](#), / [Abedalthagafi, Malak](#) / [Alaamery, Manal](#) / [Data collection lead](#), / [Alshareef, Abdulraheem](#) / [Sawaji, Mona](#) / [Admin team lead](#), / [Massadeh, Salam](#) / [AlMalik, Abdulaziz](#) / [Analysis team member](#), / [Alqahtani, Saleh](#) / [Baraka, Dona](#) / [Harthi, Fawz](#) / [Alsolm, Ebtehal](#) / [Safieh, Leen](#) / [Alowayn, Albandary](#) / [Alqubaishi, Fatimah](#) / [Mutairi, Amal](#) / [Mangul, Serghei](#) / [Data collection member](#), / [Almutairi, Mansour](#) / [Aljawini, Nora](#) / [Albeshar, Nour](#) / [Arabi, Yaseen](#) / [Mahmoud, Ebrahim](#) / [Khattab, Amin](#) / [Halawani, Roaa](#) / [Alahmadey, Ziab](#) / [Albakri, Jihad](#) / [Felemban, Walaa](#) / [Suliman, Bandar](#) / [Hasanato, Rana](#) / [Al-Awdah, Laila](#) / [Alghamdi, Jihad](#) / [AlZahrani, Deema](#) / [AlJohani, Sameera](#) / [Al-Afghani, Hani](#) / [AlDhawi, Nouf](#) / [AlBardis, Hadeel](#) / [Alkwai, Sarah](#) / [Alswaim, Moneera](#) / [Almalki, Faisal](#) / [Albeladi, Maha](#) / [Almohammed, Iman](#) / [Barhoush, Eman](#) / [Albader, Anoud](#) / [Admin team member](#), / [Alotaibi, Sara](#) / [Alghamdi, Bader](#) / [Jung, Junghyun](#) / [fawzy, Mohammad](#) / [Data collection member](#), / [Alrashed, May](#) / [The genetic predisposition to severe COVID-19](#), / [Analysis Team Lead](#), / [Data collection lead](#), / [Zeberg, Hugo](#) / [Analysis team member](#), / [Nkambul, Lindo](#) / [Data collection member](#), / [Frithiof, Robert](#) / [Hultström, Michael](#) / [Lipcsey, Miklos](#) / [Tardif, Nicolas](#) / [Rooyackers, Olav](#) / [Grip, Jonathan](#) / [Maricic, Tomislav](#) / [The Norwegian Mother, Father and Child Cohort Study](#), / [Analysis Team Lead](#), / [Helgeland, Øyvind](#) / [Data collection lead](#), / [Magnus, Per](#) / [Trogstad, Lill-Iren](#) / [Analysis team member](#), / [Lee, Yunsung](#) / [Admin team member](#), / [Harris, Jennifer](#) / [TwinsUK](#), / [Analysis Team Lead](#), / [Mangino, Massimo](#) / [Data collection lead](#), / [Spector, Tim](#) / [Data collection member](#), / [Emma, Duncan](#) / [UK 100,000 Genomes Project \(Genomics England\)](#), / [Analysis Team Lead](#), / [Moutsianas, Loukas](#) / [Data collection lead](#), / [Caulfield, Mark](#) / [Scott, Richard](#) / [Analysis team member](#), / [Kousathanas, Athanasios](#) / [Pasko, Dorota](#) / [Walker, Susan](#) / [Stuckey, Alex](#) / [Odhams, Christopher](#) / [Rhodes, Daniel](#) / [Data collection member](#), / [Fowler, Tom](#) / [Rendon, Augusto](#) / [Chan, Georgia](#) / [Arumugam, Prabhu](#) / [UK Biobank](#), / [Analysis Team Lead](#), / [Karczewski, Konrad](#) / [Martin, Alicia](#) / [Wilson, Daniel](#) / [Spencer, Chris](#) / [Data collection lead](#), / [Crook, Derrick](#) / [Wyllie, David](#) / [O'Connell, Anne](#) / [Admin team lead](#), / [Analysis team member](#), / [Atkinson, Elizabeth](#) / [Kanai, Masahiro](#) / [Tsuo, Kristin](#) / [Baya, Nikolas](#) / [Turley, Patrick](#) / [Gupta, Rahul](#) / [Walters, Raymond](#) / [Palmer, Duncan](#) / [Sarma, Gopal](#) / [Solomonson, Matthew](#) / [Cheng, Nathan](#) / [Lu, Wenhan](#) / [Churchhouse, Claire](#) / [Goldstein, Jacqueline](#) / [King, Daniel](#) / [Zhou, Wei](#) / [Seed, Cotton](#) / [Daly, Mark](#) / [Neale, Benjamin](#) / [Finucane, Hilary](#) / [Bryant, Sam](#) / [Satterstrom, Kyle](#) / [Band, Gavin](#) / [Earle, Sarah](#) / [Lin, Shang-Kuan](#) / [Arning, Nicolas](#) / [Koelling, Nils](#) / [Data collection member](#), / [Armstrong, Jacob](#) / [Rudkin, Justine](#) / [Admin team member](#), / [Callier, Shawneequa](#) / [Bryant, Sam](#) / [Cusick, Caroline](#) / [UK Blood Donors Cohort](#), / [Analysis Team Lead](#), / [Soranzo, Nicole](#) / [Zhao, Jing](#) / [Data collection lead](#), / [Danesh, John](#) / [Di Angelantonio, Emanuele](#) / [Analysis team member](#), / [Butterworth, Adam](#) / [Million Veteran Program](#), / [Analysis Team Lead](#), / [Sun, Yan](#) / [Huffman, Jennifer](#) / [Data collection lead](#), / [Cho, Kelly](#) / [Admin team lead](#), / [O'Donnell, Christopher](#) / [Tsao, Phil](#) / [Gaziano, Michael](#) / [Analysis team member](#), / [Peloso, Gina](#) / [Data collection member](#), / [Ho, Yuk-Lam](#) / [Vanda COVID](#), / [Analysis Team Lead](#), / [Smieszek, Sandra](#) / [Admin team lead](#), / [Polymeropoulos, Christos](#) / [Polymeropoulos, Vasilios](#) / [Polymeropoulos, Mihael](#) / [Analysis team member](#),

/ Przychodzen, Bartlomiej / Variability in immune response genes and severity of SARS-CoV-2 infection (INMUNGEN-CoV2 study), / Analysis Team Lead, / Fernandez-Cadenas, Israel / Data collection lead, / Planas, Anna / Analysis team member, / Perez-Tur, Jordi / Llucià-Carol, Laia / Cullell, Natalia / Muiño, Elena / Cárcel-Márquez, Jara / DeDiego, Marta / Iglesias, Lara / Data collection member, / Soriano, Alex / Rico, Veronica / Agüero, Daiana / Bedini, Josep / Lozano, Francisco / Domingo, Carlos / Robles, Veronica / Ruiz-Jaén, Francisca / Márquez, Leonardo / Gomez, Juan / Coto, Eliecer / Albaiceta, Guillermo / García-Clemente, Marta / Dalmau, David / Arranz, Maria / Dietl, Beatriz / Serra-Llovich, Alex / Soler, Pere / Colobran, Roger / Martín-Nalda, Andrea / Martínez, Alba / Bernardo, David / Rojo, Silvia / Fiz-López, Aida / Arribas, Elisa / de la Cal-Sabater, Paloma / Segura, Tomás / González-Villa, Esther / Serrano-Heras, Gemma / Martí-Fàbregas, Joan / Jiménez-Xarrié, Elena / Mimbrenra, Alicia / Masjuan, Jaime / García-Madrona, Sebastian / Domínguez-Mayoral, Anna / Villalonga, Joan / Menéndez-Valladares, Paloma / Women's Genome Health Stud, / Analysis Team Lead, / Chasman, Daniel / Data collection lead, / Sesso, Howard / Manson, JoAnn / Admin team lead, / Buring, Julie / Ridker, Paul / Analysis team member, / Franco, Giulianini / Phenotype steering group, / Davis, Lea / Lee, Sulggi / Priest, James / Sankaran, Vijay / van Heel, David / Biesecker, Les / Kerchberger, Eric / Baillie, Kenneth / COVID-19 HGI corresponding authors,

Publication: Nature

Volume / Pagination: 6084951124471036465309475505 / E1 - E10

Barcelona Supercomputing Center - Centro Nacional de Supercomputación

Source URL (retrieved on 3 Jul 2024 - 21:38): <https://www.bsc.es/es/research-and-development/publications/first-update-mapping-the-human-genetic-architecture-covid-19>