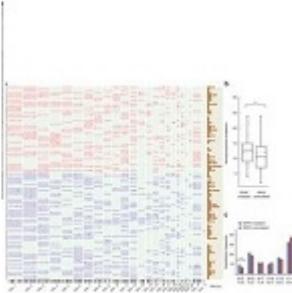


## [Nuevos resultados del Consorcio Español para el Estudio del Genoma de la Leucemia](#)



Para el procesamiento primario de los datos de secuencia producidos por el Centro Nacional de Análisis Genómico de Barcelona (CNAG), se utiliza la capacidad de cálculo del superordenador MareNostrum

[5292.pdf](#)

Barcelona Supercomputing Center - Centro Nacional de Supercomputación

---

**Source URL (retrieved on 17 Jul 2024 - 01:39):** <https://www.bsc.es/es/news/bsc-news/nuevos-resultados-del-consorcio-esp%C3%B1ol-para-el-estudio-del-genoma-de-la-leucemia>